

pCSII/PUM1\_RBD/PUP-2/URA3

**Green:** C. elegans PUP-2 coding sequence

**Yellow:** S. cerevisiae URA3 marker (same strand as PUP-2)

Used to make the PUF3-PUP2 RNA Tagging strain (lacks an epitope tag). Just add flanking regions homologous to the regions where you want to insert this in the genome. 40 bases typically works fine.

```
TTGTACAGAAAATGATCGATGTAGCAGAACCAGCTCAGCGCAAGATTGTTATGCACAAGATCAGACCACATATTGC
CACTCTTCGTAATAACACATATGGCAAGCACATCCTGGCCAAGTTGGAAAAGTACTACATGAAAAATGGAATGGAT
CTGGGTCCAATGTGTGGACCCTCAAATGGAATCATTGCGAGGCCTATGACAGTTATTAGAAGTCGTCTCTACAG
TGAAAGGAGTGAAGACAACAACATCAGATTGCACCGAAAGACGTCACCTCATCGAGTTCACCTTGCAAATGAGTC
AAAACGGAAGCAGTGGATACTATGAAGGAGATGTTTTACTGGATGATGATGCTCTTGTTTCGATGCCAGAAGCAA
CGCTCATTGAGTGCTTTGGTAATCTGGCTGTCACAAAAGACCTGCACATCTGAGACCTCCGGCAGCTTTCTGTCTA
CCGTTTGTATCAATGAACAACGATTTGACGAGCGGACATGCCTGAAACATATCACATTGACATCAGTATTCGACG
CACTACATCCGTACGTTGCCATGCCGTACATCAACAGAATGGATATATGCTCTGCAATGAACGTATATTGGATCAG
AAACTGTTTGAAGCTGAACAATCCGATTTATTCATCGATTGCTCTGGAAATGCAAGTACATTTGAGTGCATGTT
TTGGATGTCGCGTTGTCCTGGATATCTATGGATCAACCAGAAACGGATTCGGTACCCGATTCTGTGATGTTGATAT
GTCACCTTCTTTTTACCGAGTCCACCTTCATGGGCAACCAATTCGGATCGAGTGATGAGAGCTGTTGCGAAGGCA
CTTGTCGATTTCCGAAAGCAGTTGATGAGAGATATGTCAACGCCAAAGTTCCAATTGTCAGATTCAGAAGCAGTG
ACATGGATATGGAAGCAGACATCAGTTACAAGAATGATTTGGCTCTTACAATACTCAGCTTTTGCAACAATACTG
CAAATGGGATCCGAAAGACTACCGACTCTTGGAGTTTGGGTCAAAGCGTGGGCGAAACGAAGTGGAGTTGGAG
ATGCATCAAAGGATCGCTGTCTTCATATGCTTGGATTGTGATGCTTATTATTCTTCAGCAAGTGAACCAATT
CCTGTGTTGCCATGTCTTCAGGAAATGAACCATCAGAAAAGTAAAATGTCTACGTCCAAGTTACAACACGTATT
ATTGAAATTCGTAGACACTGCTCGTACACGACGTTGTCGTGCTTCTGTCGTTGATTTGTTGCTGGATTCTGGAT
TACTATGCCACATACTTTGACTACTCCACAAATGTTATCCAGATGGTGTCCAAGAAATTGGAATTCAAACCGGATCG
CTGGTGCAAGTATCCAATGTGTATTGCTGATCCGTTGAGACGGATCATAATTTGGCACAAGGTGTTGATATGCCA
ATGTTTGAATACATTAGATCGTGTATGGAACACTCGAAGAAAGTATTCACGGATCGCCGCATGCGCTCGGAGTTTC
TTTCGGGATACGGGTTGACGTTGACGAATTTGATGCAAGGCATCGAGGCGAAATGAACATGGAATGGCGTCAAC
AATTTGGGGAATTCCTTCTTACAAGTGCATAATGGTGAAACAAGCCCCGAATCGTCAATTCGTGATCGCAGTAT
GAGTCAATCGACGAGCATAAGCAACACATCGAGTATTTCTCGTCGGGATAGTGACTCGAGCCTCTAGACGGTTTC
TTTGAATTTTTTTGATTCGGTAATCTCCGAACAGAAGGAAGAACAAGGAAGGAGCACAGACTTAGATTGGTAT
ATATACGCATATGTAGTGTTGAAGAAACATGAAATTGCCAGTATTCTTAACCCAAGTGCACAGAAACAAAAACCTG
CAGGAAACGAAGATAAATCATGTCGAAAGCTACATATAAGGAACGTGCTGCTACTCATCCTAGTCTGTTGCTGCC
AAGCTATTTAATATCATGCACGAAAAGCAAACAACTTGTGTGCTTATTGGATGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
GGAGTTAGTTGAAGCATTAGGTCCCAAATTTGTTTACTAAAAACACATGTGGATATCTTGACTGATTTTTCCATGG
AGGGCACAGTTAAGCCGCTAAAGGCATTATCCGCCAAGTACAATTTTTACTCTTGAAGACAGAAAATTTGCTGA
CATTGGTAATACAGTCAAATTGCACTACTCTGCGGGTGTATACAGAATAGCAGAATGGGCAGACATTACGAATGC
ACACGGTGTGGTGGGCCAGGTATTGTTAGCGGTTTGAAGCAGGCGGCAGAAGAAGTAACAAAGGAACCTAGAG
GCCTTTTGTGTTAGCAGAATTGTCATGCAAGGGCTCCCTATCTACTGGAGAATATACTAAGGGTACTGTTGACAT
TGCGAAGAGCGACAAAGATTTTGTATCGGCTTATTGCTCAAAGAGACATGGGTGGAAGAGATGAAGGTTACGA
TTGGTTGATTATGACACCCGGTGTGGGTTTAGATGACAAGGGAGACGCATTGGGTCAACAGTATAGAACCCTGGA
TGATGTGGTCTCTACAGGATCTGACATTATTATTGTTGGAAGAGGACTATTTGCAAAGGGGAAGGGATGCTAAGGT
AGAGGGTGAACGTTACAGAAAAGCAGGCTGGGAAGCATATTTGAGAAGATGCGGCCAGCAAACTAAAAAACTG
TATTATAAGTAAATGCATGTATACTAAACTCACAATTAGAGCTTCAATTTAATTATATCAGTTATTACCCTATGCGG
```

TCTAGAACTATAGTGAGTCGTATTACGTAGATCCAGACATGATAAGATACATTGATGAGTTTGGACAAACCACAAC  
TAGAATGCAGTGAAAAAATGCTTTATTTGTGAAATTTGTGATGCTATTGCTTTATTTGTAACCATTATAAGCTGCA  
ATAAACAAGTTAACAACAACAATTGCATTCATTTTATGTTTCAGGTTCCAGGGGAGGTGTGGGAGGTTTTTAATT  
CGCGCCCGCGGCGCCAATGCATTGGGCCCGGTACCCAGCTTTTGTCCCTTTAGTGAGGGTTAATTGCGCGCTTGG  
CGTAATCATGGTCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATACGAGCCCGGA  
GCATAAAGTGTAAGCCTGGGGTGCCCTAATGAGTGAGCTACCTCACATTAATTGCGTTGCGCTCACTGNCCCGCT  
T